USE
OF
HPPD INHIBITORS
AS
SELECTION AGENTS
IN PLANT TRANSFORMATION

Frederic Garcon
-andBernard Pelissier

PATENT APPLICATION
(In French)
-with-

LIST OF SEQUENCES

-and-

Two (2) Sheets of Drawings

PM00053 (5500*101)

"Express Mail" mailing label
number EK219526068

Date of Deposit

-August 02, 2001
I hereby certify that this paper or fee is
being deposited with the United States Postal
Service "Express Mail Post Office to
Assresse" service under 37CFR 1 10 on the
date undicated above and is addressed to Box
PATENT APPLN., Comm. of Patents,
washington. b.c. 20231

-Barbara J. Miller
(Typed or printed name of person mailing
paper processes)

(Sighature of person mailing paper of fee)

7

Utilisation d'inhibiteurs d'HPPD comme agents de sélection dans la transformation de plantes

La présente invention concerne l'utilisation d'inhibiteurs d'HPPD comme agents de sélection dans la transformation de cellules végétales et de plantes par génie génétique. La transformation de cellules végétales et de plantes par génie génétique consiste généralement à introduire un gène étranger, ou hétérologue codant pour une protéine d'intérêt, dans le génome des cellules végétales et des plantes qui les contiennent. Ce gène hétérologue une fois intégré dans le génome des cellules végétales est alors exprimé pour conférer aux dites cellules et aux plantes qui les contiennent un nouveau caractère lié à la fonction du gène hétérologue qui sera exprimé.

10

20

25

De nombreuses techniques de transformation des cellules végétales et de plantes par génie génétique ont été développées et abondamment décrites dans la littérature. On pourra distinguer d'une part les méthodes cherchant à introduire un fragment d'ADN porteur du gène hétérologue sous forme dite d'ADN nu. Il s'agit notamment de bombarder des cellules, des protoplastes ou des tissus avec des particules auxquelles sont accrochées les séquences d'ADN. D'autres méthodes peuvent être utilisées telles que la micro-injection ou l'électroporation, ou encore la précipitation directe au moyen de PEG. On distinguera d'autre part les méthodes consistant à utiliser comme moyen de transfert dans la plante un gène chimère hétérologue dans un plasmide Ti d'Agrobacterium tumefaciens ou Ri d'Agrobacterium rhizogenes. L'homme du métier fera le choix de la méthode appropriée en fonction de la nature de la cellule végétale ou de la plante à transformer. On citera notamment les brevets et demandes de brevet suivants: US 4,459,355, US 4,536,475, US 5,464,763, US 5,177,010, US 5,187,073, EP 267,159, EP 604 662, EP 672 752, US 4,945,050, US 5,036,006, US 5,100,792, US 5,371,014, US 5,478,744, US 5,179,022. US 5,565,346, US 5,484,956, US 5,508,468, US 5,538,877, US 5,554,798, US 5,489,520, US 5,510,318, US 5,204,253, US 5,405,765, EP 442 174, EP 486 233, EP 486 234, EP 539 563, EP 674 725, WO 91/02071 et WO 95/06128.

Les méthodes de transformation de cellules végétales comprennent généralement les étapes suivantes:

- a) préparation de cellules végétales compétentes aptes à recevoir le gène hétérologue dans un milieu approprié,
 - b) transformation des cellules compétentes avec le gène hétérologue

c) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue dans un milieu approprié.

Les cellules végétales compétentes peuvent être des cals embryogéniques, des cultures cellulaires sur support solide ou en suspension, ou des tissus embryogéniques, bien connus de l'homme du métier et largement décrits dans la littérature.

L'obtention de plantes transgéniques, comprenant le gène hétérologue intégré dans son génome, consiste ensuite à effectuer les étapes suivantes de :

- d) régénération de plantes à partir des cellules transformées dans un ou plusieurs milieux appropriés, et le cas échéant,
 - e) obtention et récupération des graines des plantes transformées fertiles.

10

15

20

25

30

La pollinisation des plantes régénérées pour l'obtention des graines des plantes transformées fertiles s'effectue soit par auto-pollinisation, soit par pollinisation croisée avec une variété non transformée de la même plante, ou éventuellement avec une autre variété ayant intégré de manière stable dans son génome un autre gène hétérologue.

Les graines des plantes transformées sont employée ensuite dans des programmes de sélection classique pour l'obtention de nouvelles variétés de plantes transgéniques ayant intégré le gène hétérologue de manière stable dans leur génome. De tels programmes de sélection sont bien connus de l'homme du métier et comprennent l'évaluation des propriétés agronomiques des plantes obtenues et de leur descendance, en particulier vis à vis des propriétés agronomiques liées à l'expression du gène hétérologue.

La sélection des cellules transformées est effectuée au moyen d'un gène marqueur de sélection. De tels gènes marqueurs et leur utilisation pour la transformation d'organismes hôtes sont bien connus de l'homme du métier et largement décrits dans la littérature.

Parmi les gènes codant pour des marqueurs de sélection, on peut d'une part les gènes codant pour des enzymes facilement identifiables comme l'enzyme GUS (ou GFP. "Green Fluorescent Protein "), des gènes codant pour des pigments ou des enzymes régulant la production de pigments dans les cellules transformées. On citera d'autre part les gènes de résistance aux antibiotiques et les gènes de tolérance aux herbicides (bialaphos, glyphosate ou isoxazoles). Dans ce cas, la sélection s'effectue en introduisant dans le milieu approprié pour la croissance et la sélection des cellules transformées un agent de sélection de type antibiotique ou herbicide qui est létal pour les cellules non transformées, seules les cellules comprenant le gène de résistance aux antibiotiques ou aux herbicides étant capables de croître sur le milieu de sélection. De tels gènes marqueurs de sélection sont notamment

décrits dans les demandes de brevet EP 242 236, EP 242 246, GB 2 197 653, WO 91/02071, WO 95/06128, WO 96/38567, WO 97/04103 ou WO 99/24585.

Les gènes marqueur de sélection sont introduits dans les cellules hôtes de manière simultanée avec le gène hétérologue, soit dans un même vecteur, les deux gènes étant associés de manière convergente, divergente ou colinéaire (WO 95/06128, US 5 731 179), ou encore dans deux vecteurs employés simultanément pour la transformation des cellules végétales. Dans certaines conditions (US 5 731 179) et notamment dans le cas où le gène hétérologue et le gène marqueur de sélection sont introduit séparément dans deux vecteurs de manière simultanée, le gène hétérologue codant pour une protéine d'intérêt et le gène marqueur de sélection peuvent s'intégrer sur deux chromosomes différents dans le génome de la plante transformée. Il est possible, après récupération de plantes transformées fertiles d'éliminer le gène marqueur pour n'obtenir des plantes transformées ne comprenant que le gène hétérologue codant pour une protéine d'intérêt. Cette élimination se fait par autofécondatrion ou croisement des plantes transformées comprenant le gène hétérologue et le gène marqueur de sélection avec une variété non transformée de la même plante, la ségrégation des deux gènes s'effectuant de manière Mendélienne classique.

10

15

20

25

30

Lorsque le gène hétérologue codant pour une protéine d'intérêt est un gène de tolérance herbicide, on peut employer le seul gène hétérologue comme marqueur de sélection dans le procédé de transformation des cellules végétales ou des plantes.

L'utilisation de gènes de tolérance aux herbicides inhibiteurs d'HPPD comme marqueurs de sélection dans les procédés de transformation des cellules végétales et des plantes a été décrite dans la littérature (WO 96/38567, WO 99/24585). L'inhibiteur d'HPPD est introduit dans le milieu de culture des cellules après transformation (étape c), à l'instar des autres agents de sélections selon les pratiques habituelles de l'homme du métier. Les inhibiteurs d'HPPD agissent sur les cellules végétales en inhibant la synthèse des plastoquinones et des caroténoïdes. Cette action conduit à un blanchiment des cellules végétales qui n'est pas dommageable à la croissances des dites cellules, plus particulièrement dans le cas de tissus embryogénique. Seules les cellules végétales transformées comprenant le gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD restent vertes et peuvent être sélectionnées, se distinguant ainsi des cellules non transformées.

La présente invention consiste en une amélioration d'une telle utilisation de manière à faciliter le processus d'identification et de sélection des cellules transformées. Un second objet de la présente invention consiste à diminuer le temps nécessaire à la sélection des plantes transformées, et à l'obtention de plantes régénérées fertiles. En effet, le processus

4

5

10

15

20

25

général de transformation, sélection, régénération et récupération des graines de plantes transformées fertiles peut prendre plusieurs mois selon les plantes considérées, de l'ordre de 10 à 18 mois, notamment pour des plantes telles que le soja. La réduction de cette durée de un ou plusieurs mois constitue un avantage technologique et économique certain.

La présente invention consiste introduire l'inhibiteur d'HPPD dans le milieu de culture des cellules végétales compétentes (étape a) de manière à blanchir les dites cellules avant l'étape de transformation. Les cellules compétentes blanchies sont ensuite transformées avec un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comme marqueur de sélection et les cellules transformées ayant intégré ledit marqueur de sélection dans leur génome verdissent, permettant leur sélection. Un tel procédé permet de réduire le temps nécessaire à la sélection des cellules transformées de plusieurs mois, de l'ordre de 2 à 3 mois.

La présente invention consiste donc en un procédé de transformation de cellules végétales par l'introduction d'un gène hétérologue dans lesdites cellules végétales avec un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comme marqueurs de sélection, ledit procédé comprenant les étapes de

- a) préparation et culture de cellules végétales compétentes aptes à recevoir le gène hétérologue dans un milieu approprié,
- b) transformation des cellules compétentes avec le gène hétérologue et le marqueur de sélection,
- c) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue dans un milieu approprié.

caractérisé en ce que l'on effectue une étape de blanchiment des cellules végétales compétentes avant l'étape de transformation (b), en introduisant dans le milieu approprié de culture des cellules végétales compétentes un quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD.

La présente invention consiste également en l'obtention de plantes transgéniques, comprenant le gène hétérologue intégré dans son génome, consiste ensuite à effectuer les étapes suivantes de :

- d) régénération de plantes à partir des cellules transformées sélectionnées dans
 30 un ou plusieurs milieux appropriés, et le cas échéant,
 - e) obtention et récupération des graines des plantes transformées fertiles.

De manière préférentielle les plantes transgéniques obtenues par le procédé selon l'invention sont des plantes transgéniques fertiles.

Les cellules végétales selon l'invention peuvent être des cellules végétales de plantes monocotylédones ou dicotylédones, plus particulièrement des plantes de culture destinées ou non à l'alimentation animale ou humaine, de préférence dicoltylédones, notamment le tabac, le colza, la betterave à sucre, les pommes de terre, le coton, ou le soja, de manière plus préférentielle le soja.

Les cellules végétales compétentes peuvent être des cals embryogéniques, des cultures cellulaires sur support solide ou en suspension, ou des tissus embryogéniques, bien connus de l'homme du métier et largement décrits dans la littérature. De manière avantageuse, les cellules végétales compétentes sont des tissus embryogéniques prolitératifs, maintenus préférentiellement dans un milieu semi solide (In Vitro Cell. Dev. Bioll. Plant 35:451-455, 1999), et plus particulièrement de cellules de soja. Pour ces cellules compétentes, le blanchiment in vitro lié à l'inhibition de la synthèse des tocophérols n'est pas létale et ne diminue pas la division cellulaire.

10

15

20

25

La présente invention concerne plus particulier un procédé de préparation d'un soja transgénique comprenant un gène hétérologue intégré dans son génome, ledit procédé comprenant les étapes suivantes :

- al) préparation de tissus embryogéniques prolifératifs par culture d'embryons zygotiques immatures de soja sur un milieu inducteur approprié,
- a2) transfert des tissus embryogéniques prolifératifs dans un milieu de culture approprié,
 - a3) blanchiment des tissus embryogéniques prolifératifs par ajout d'une quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD au milieu de culture,
 - b) transformation des tissus embryogénique prolifératifs blanchis par bombardement de particules enrobées de fragments d'ADN comprenant le gène hétérologue et le gène de résistance aux inhibiteurs d'HPPD.
 - c) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue et le gène de résistance aux inhibiteurs d'HPPD dans un milieu de culture approprié comprenant une quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD,
- d) régénérations de plantes à partir des cellules transformées séléctionnées
 dans un ou plusieurs milieux appropriés,
 - e) obtention et récupération de graines de soja transformés fertile comprenant le gène hétérologue et le gène de résistance aux inhibiteurs d'HPPD.

De manière avantageuse, les inhibiteurs d'HPPD sont choisis parmi les isoxazoles (EP 418 175, EP 470 856, EP 487 352, EP 527 036, EP 560 482, EP 682 659, US 5 424

6

276) en particulier l'isoxaflutole, herbicide sélectif du maïs, les dicétonitriles (EP 496 630, EP 496 631), en particulier la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-CF3 phényl) propane-1,3-dione et la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-2,3 Cl2 phényl) propane-1, 3-dione, les tricétones (EP 625 505, EP 625 508, US 5,506,195), en particulier la sulcotrione ou la mésotrione, ou encore les pyrazolinates. De manière préférentielle, l'inhibiteur d'HPPD est choisi parmi les dikétonitriles, en particulier la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-CF3 phényl) propane-1,3-dione et la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-2,3 Cl2 phényl) propane-1,3-dione.

La quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD introduite dans le milieu approprié de préparation et de culture des cellules compétentes selon l'invention dépendra d'une part de l'inhibiteur d'HPPD employé et d'autre part des cellules compétents employées, de par leur plante d'origine et leur forme. L'homme du métier saura déterminer cette quantité appropriée par des techniques usuelles de croissance des cellules compétentes à différentes concentrations de l'inhibiteur d'HPPD employé.

10

15

20

25

30

De manière préférentielle, la concentration en inhibiteurs d'HPPD est comprise entre 0,5 et 50 mg de matière active par litre de milieu, plus préférentiellement comprise entre 1 et 10 mg/l.

De manière avantageuse, l'inhibiteur d'HPPD est appliqué aux cellules végétales compétentes dans le milieu de culture entre 1 mois et 1 semaines, avant l'étape de transformation, préférentiellement entre 15 et 10 jours. L'homme du métier saura déterminer le moment d'application de l'inhibiteur d'HPPD avant la transformation en fonction des tissus à transformer et de l'inhibiteur d'HPPD et de sa concentration, et de la cinétique de blanchiment des tissus. Il est commun aux techniques de transformation de cellules végétales que les cellules végétales compétentes doivent être repiquées de manière régulière dans des milieux de culture frais. Le temps entre chaque opération de repiquage dépendra en particulier du milieu de culture et de la vitesse de croissance des cellules végétales. Il est généralement de 10 à 15 jours. De manière avantageuse, l'inhibiteur d'HPPD sera introduit dans le milieu de culture frais avant de procéder au repiquage des cellules, généralement au cours du dernier repiquage précédant l'étape de transformation.

Les milieux appropriés pour la préparation et la culture des cellules végétales compétentes comme les milieux appropriés pour la croissance et la sélection des cellules transformées et les milieux pour la régénération des plantes transformées sont des milieux usuels bien connus de l'homme du métier et largement décrits dans la littérature et notamment dans les références citées dans la présente demande de brevet.

Selon un premier mode de réalisation de l'invention, le milieu approprié pour la préparation et la culture des cellules végétales compétentes et le milieu approprié pour la croissance et la sélection des cellules transformées sont identiques et comprennent la même concentration en inhibiteur d'HPPD. Selon un autre mode de réalisation de l'invention, ils ne diffèrent que de par leur concentration en inhibiteur d'HPPD, le premier milieu comprenant une concentration en inhibiteur supérieure au second ou l'inverse. Selon un autre mode de réalisation de l'invention, les milieux diffèrent de par leur composition en éléments nutritifs et hormones nécessaire à la croissance des cellules compétentes avant et après transformation. De manière préférentielle, les deux milieux sont identiques de par leur composition en éléments nutritifs et hormones et leur concentration en inhibiteurs d'HPPD.

10

20

25

30

Selon un premier mode de réalisation de l'invention, le milieu approprié pour la préparation et la culture des cellule compétentes et/ou le milieu approprié pour la croissance et la sélection des cellules transformées est un milieu D20 décrit Santarém et Finer (In Vitro Cell. Dev. Biol.-Plant 35 : 451-455, 1999), au quel on ajoute une quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD.

Selon un deuxième mode de réalisation de l'invention, le milieu approprié pour la préparation et la culture des cellule compétentes et/ou le milieu approprié pour la croissance et la sélection des cellules transformées est un milieu FNL décrit par Samoylov & coll. (Plant Cell. Rep., 18:49-54, 1998), dont la composition détaillée est donnée dans les exemples ci-après, auquel on ajoute une quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD. De manière préférentielle, les deux milieux sont des milieux FNL.

Le milieu inducteur approprié est de préférence un milieu D40 tel que défini dans les exemples.

Le milieu de régénération approprié est de préférence un milieu SBP6 décrit par Finer & Nagasawa (Plant Cell. Tissue and Organ Culture 15 : 125-136, 1988) défini dans les exemples ci-après pour la croissance des tissus, puis un milieu tel que décrit par Finner & McMullen (In Vitro Cell. Dev. Biol. 27P :175-182, 1991) pour la conversion des tissus en embryons, puis un milieu MS, en particulier un milieu MS tel que décrit dans les exemples pour la germination des embryons.

Il est entendu dans de qui précède et ce qui suit que lorsque le gène hétérologue que l'on souhaite introduire dans la plante est un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD, seul le gène de résistance aux inhibiteurs d'HPPD est introduit dans les cellules végétales.

Selon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, l'étape de transformation des cellules compétentes (étape b) est effectuée par la méthode de bombardement de particules, étant entendu que d'autres méthodes équivalentes de transfert d'ADN nu comme l'agitation des cellules compétentes en présence d'ADN et de fibres de silices (Whiskers) peuvent être employées. Le principe de la transformation par bombardement de particules est bien connu de l'homme du métier et largement décrit dans la littérature pour différentes espèces de cellules végétales et de plantes. Pour la transformation des plantes dicotylédones, et du soja en particulier, on citera notamment les références suivantes : Finer & coll. (Plant Cell. Rep. 11:323-328, 1992). La transformation par bombardement de particules consiste essentiellement à agréger des fragments d'ADN comprenant les gènes à transférer sur des particules métalliques qui sont ensuite bombardées sur les cellules végétales compétentes au moyen de cannons à particules. Les particules comme les appareils permettant le bombardement des cellules compétentes sont bien connus de l'homme du métier, décrits dans la littérature et disponibles dans le commerce. On citera notamment les brevets et demandes de brevet US 4 945 050, EP 270 356, US 5 204 253, EP 434 616, US 5 516 670, EP 535 005 ou US 5 466 587. Selon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, les particules métalliques sont des particules fonctionnalisées par le greffage de silicones aminées telles que décrites dans le brevet US 6 068 980.

10

15

20

De manière préférentielle, les gènes de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comprennent dans le sens de la transcription une séquence de régulation promotrice fonctionnelle dans les cellules végétales et les plantes, liée de manière fonctionnelle à une séquence d'ADN codant pour une HPPD liée de manière fonctionnelle à une séquence de régulation terminatrice fonctionnelle dans les cellules végétales et les plantes. Les séquences codant pour des HPPD sont des séquences d'HPPD natives, notamment de plantes, de microorganismes, de champignons ou de mammifères, notamment les séquences décrites dans les demandes de brevet WO 96/38567, US 6 087 563, WO 97/49816 ou WO 99/24585. Il s'agit notamment de séquences codant pour des HPPD de Pseudomonas fluroescens, d'Arabidopsis thaliana, de carotte, de blé, de Synecocistys.. Les séquences codant pour des IIPPD sont également des séquences mutées dans leur partie Cterminale telles que décrites dans la demande de brevet WO 99/24585 ou des HPPD chimères telles que décrites dans la demande de brevet WO 99/24586. Selon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, la séquence d'ADN codant pour une HPPD est une séquence d'HPPD mutée dans sa partie terminale, plus particulièrement une séquence comprenant la mutation W336 telle que décrite dans la demande de brevet WO 99/24585, plus préférentiellement la séquence d'HPPD de *Pseudomonas fluorescens* comprenant la mutation W336 telle que décrite dans la demande de brevet WO 99/24585.

9

Selon un mode préférentiel de réalisation de l'invention, le gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comprend dans le sens de la transcription une séquence de régulation promotrice sélectionnée parmi le promoteur de la petite sous unité de la RuBisCo de tournesol, décrit dans la demande de brevet WO 99/25842, ou le promoteur d'histone d'*Arabidopsis thaliana* combiné à l'enhancer du virus etch du tabac (TEV) te que décrit dans la demande de brevet WO 99/24585, liée de manière fonctionnelle à une séquence d'ADN codant pour une peptide de transit, de préférence un peptide de transit optimisé, tels que définis ci-après, liée de manière fonctionnelle à une séquence d'ADN codant pour une HPPD telle que définie ci-dessus, de préférence une séquence codant pour une HPPD de *Pseudomonas fluorescens* comprenant la mutation W336, liée de manière fonctionnelle à une séquence de régulation terminatrice, en particuler la séquence terminatrice NOS définie ci-après. Les gènes de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD correspondants sont représentés dans les figures en annexe par les cartes de plasmides pCH73 et pCH94, et par leurs séquences nucléotidiques :

pCH73: SEQ ID NO 1, représentation 3'-5'

Promoteur: 4541-5257

Peptide de transit optimisé: 4130-4487

HPPDW336: 3045-4119

NOS: 2749-3000

PCH94: SEQ ID NO 2

10

15

20

30

Promoteur: 34-1272

TEV enhancer: 1292-1421

Peptide de transit optimisé : 1428-1793

HPPDW336: 1795-2869

NOS: 2914-3165

De manière préférentielle, les gènes hétérologues codant pour une protéine d'intérêt comprennent dans le sens de la transcription une séquence de régulation promotrice fonctionnelle dans les cellules végétales et les plantes, liée de manière fonctionnelle à une séquence d'ADN codant pour une protéine ou un peptide d'intérêt liée de manière fonctionnelle à une séquence de régulation terminatrice fonctionnelle dans les cellules végétales et les plantes.

Les séquences d'ADN codant pour une protéine ou un peptide d'intérêt sont généralement des séquences codant pour des protéines ou des peptides conférant à la plante transformée de nouvelles propriétés agronomiques, ou d'amélioration de la qualité agronomique de la plante transformée.

Parmi les gènes conférant de nouvelles propriétés agronomiques aux plantes transformées, on peut citer les séquences d'ADN codant pour des protéines conférant une tolérance à certains herbicides, ceux conférant une résistance à certains insectes, ceux conférant une tolérance à certaines maladies, etc. De tels gènes sont notamment décrits dans les demandes de brevet WO 91/02071 et WO 95/06128.

5

10

20

30

Parmi les séquences d'ADN codant pour des protéines conférant une tolérance à certains herbicides aux cellules végétales et aux plantes transformées., on peut citer le gène Bar conférant une tolérance au bialaphos, le gène codant pour une EPSPS appropriée conférant une résistance aux herbicides ayant l'EPSPS comme cible comme le glyphosate et ses sels (US 4,535,060, US 4,769,061, US 5,094,945, US 4,940,835, US 5,188,642, US 4,971,908, US 5,145,783, US 5,310,667, US 5,312,910, US 5,627,061, US 5,633,435, FR 2 736 926), le gène codant pour la glyphosate oxydoréductase (US 5,463,175), ou encore un gène codant pour une HPPD conférant une tolérance aux herbicides ayant pour cible l'HPPD cités précédemment comme les isoxazoles, notamment l'isoxafutole (FR 95 06800, FR 95 13570), les dicétonitriles (EP 496 630, EP 496 631) ou les tricétones, notamment la sulcotrione ou la mésotrione (EP 625 505, EP 625 508, US 5,506,195).

Parmi les séquences d'ADN codant pour une EPSPS appropriée conférant une résistance aux herbicides ayant l'EPSPS comme cible, on citera plus particulièrement le gène codant pour une EPSPS végétale, en particulier de maïs, présentant deux mutations 102 et 106, décrit dans la demande de brevet FR 2 736 926, dénommé ci-dessous EPSPS double mutant, ou encore le gène codant pour une EPSPS isolée d'Agrobacterium décrit par les séquences ID 2 et ID 3 du brevet US 5,633,435, dénommé ci-dessous CP4.

Dans les cas des séquences d'ADN codant pour EPSPS ou HPPD, et plus particulièrement pour les gènes ci-dessus, la séquence codant pour ces enzymes est avantageusement précédée par une séquence codant pour un peptide de transit, en particulier pour le peptide de transit dit peptide de transit optimisé décrit dans les brevets US 5,510,471 ou US 5,633,448.

Parmi les séquences d'ADN codant pour des protéines d'intérêt conférant de nouvelles propriétés de résistance aux insectes, on citera plus particulièrement les protéines Bt largement décrites dans la littérature et bien connues de l'homme du métier. On citera

aussi les protéines extraites de bactéries comme Photorabdus (WO 97/17432 & WO 98/08932).

Parmi les séquences d'ADN codant pour des protéines ou peptides d'intérêt conférant de nouvelles propriétés de résistance aux maladies on citera notamment les chitinases, les glucanases, l'oxalate oxydase, toutes ces protéines et leurs séquences codantes étant largement décrites dans la littérature, ou encore les peptides antibactériens et/ou antifongiques, en particulier les peptides de moins de 100 acides aminés riches en cystéines comme les thionines ou défensines de plantes, et plus particulièrement les peptides lytiques de toutes origines comprenant un ou plusieurs ponts disulfures entre les cystéines et des régions comprenant des acides aminés basiques, notamment les peptides lytiques suivants : l'androctonine (WO 97/30082 et WO 99/09189), la drosomicine (WO 99/02717), la thanatine (WO 99/24594) ou l'héliomicine (WO 99/53053). Selon un mode particulier de réalisation de l'invention, la protéine ou peptide d'intérêt est choisi parmi les peptides éliciteurs fongiques, en particulier les élicitines (Kamoun & al., 1993 ; Panabières & al., 1995).

10

15

20

25

Parmi les séquences d'ADN codant pour des protéines ou peptides modifiant la constitution des plantes modifiées, on peut citer en particulier les séquences d'ADN codant pour des protéines ou peptides modifiant en particulier la teneur et la qualité de certains acides gras essentiels (EP 666 918) ou encore la teneur et la qualité des protéines, en particuliers dans les feuilles et/ou les graines desdites plantes. On citera en particulier les gènes codant pour des protéines enrichies en acides aminés soufrés (Korit, A.A. & al., Eur. J. Biochem. (1991) 195, 329-334; WO 98/20133; WO 97/41239; WO 95/31554; WO 94/20828 ; WO 92/14822). Ces protéines enrichies en acides aminés soufrés auront également pour fonction de piéger et stocker la cystéine et/ou la méthionine excédentaire, permettant d'éviter les problèmes éventuels de toxicité liés à une surproduction de ces acides aminés soufrés en les piégeant. On peut citer également des gènes codant pour des peptides riches en acides aminés soufrés et plus particulièrement en cystéines, les dits peptides ayant également une activité antibactérienne et/ou antifongique. On citera plus particulièrement les défensines de plantes, de même que les peptides lytiques de toute origine, et plus particulièrement les peptides lytiques décrits précédemments. On citera également les protéines SAT décrites dans les demandes de brevet WO 00/36127, WO 00/04167 et WO 00/01833.

Comme séquence de régulation promotrice dans les cellules végétales et les plantes, on peut utiliser toute séquence promotrice d'un gène s'exprimant naturellement dans les

plantes en particulier un promoteur s'exprimant notamment dans les feuilles des plantes, comme par exemple des promoteurs dits constitutifs d'origine bactérienne, virale ou végétale ou encore des promoteurs dits lumière dépendants comme celui d'un gène de la petite sous-unité de ribulose- biscarboxylase/oxygénase (RuBisCO) de plante ou tout promoteur convenable connu pouvant être utilisé. Parmi les promoteurs d'origine végétale on citera les promoteurs d'histone tels que décrits dans la demande EP 0 507 698, ou le promoteur d'actine de riz (US 5,641,876). Parmi les promoteurs d'un gène de virus de plante, on citera celui de la mosaïque du choux fleur (CAMV 19S ou 35S), ou le promoteur du circovirus (AU 689 311).

On peut encore utiliser une séquence de régulation promotrice spécifique de régions ou de tissus particuliers des plantes, et plus particulièrement des promoteurs spécifiques des graines ([22] Datla, R.& al., Biotechnology Ann. Rev. (1997) 3, 269-296), notamment les promoteurs de la napine (EP 255 378), de la phaseoline, de la glutenine, de l'héliantinine (WO 92/17580), de l'albumine (WO 98/45460), de l'oélosine (WO 98/45461), de l'ATS1 ou de l'ATS3 (PCT/US98/06978, déposée le 20 octobre 1998, incorporée ici par référence).

10

15

20

25

30

On peut également employer un promoteur inductible avantageusement choisi parmi les promoteurs de phénylalanine ammoniac lyase (PAL), d'HMG-CoA reductase (HMG), de chitinases, de glucanases, d'inhibiteurs de proteinase (PI), de gènes de la famille PR1, de la nopaline synthase (nos) ou du gène vspB (US 5 670 349, Tableau 3), le promoteur HMG2 (US 5 670 349), le promoteur de la beta-galactosidase (ABG1) de pomme ou le promoteur de l'amino cyclopropane carboxylate syntase (ACC synthase) de pomme (WO 98/45445).

Selon l'invention, on peut également utiliser, en association avec le promoteur la séquence de régulation promotrice, d'autres séquences de régulation, qui sont situées entre le promoteur et la séquence codante, telles que des activateurs de transcription ("enhancer"), comme par exemple l'activateur de translation du virus de la mosaïque du tabac (VMT) décrit dans la demande WO 87/07644, ou du virus etch du tabac (VET) décrit par Carrington & Freed, ou des introns comme l'intron adh1 de maïs ou l'intron 1 d'actine de riz.

Comme séquence de régulation terminatrice ou de polyadénylation, on peut utiliser toute séquence correspondante d'origine bactérienne, comme par exemple le terminateur nos d'Agrobacterium tumefaciens, d'origine virale, comme par exemple le terminateur du

CaMV 35S, ou encore d'origine végétale, comme par exemple un terminateur d'histone tel que décrit dans la demande EP 0 633 317.

Les séquences codant pour une HPPD comme les séquences codant pour une protéine ou un peptide d'intérêt peuvent comprendre, liés de manière fonctionnelle en 5' ou en 3' des séquences codant pour des signaux d'adressage dans différents compartiments de la cellule végétale, comme les chloroplastes, les mitochondries, la vacuole. De tels signaux sont décrits dans la littérature et bien connus de l'homme du métier. Les peptide de transit chrolroplastiques peuvent être simples, comme un peptide de transit d'EPSPS (US 5,188,642) ou un peptide de transit de celui de la petite sous-unité de ribulosebiscarboxylase/oxygénase (ssu RuBisCO) d'une plante, éventuellement comprenant quelques acides aminés de la partie N-terminale de la ssu RuBisCO mature (EP 189 707) ou encore un peptide de transit multiple comprenant un premier peptide de transit de plante fusionné à une partie de la séquence N-terminale d'une protéine mature à localisation plastidiale, fusionnée à un deuxième peptide de transit de plante tel que décrit dans le brevet EP 508 909, et plus particulièrement le peptide de transit optimisé comprenant un peptide de transit de la ssu RuBisCO de tournesol fusionné à 22 acides aminés de l'extrémité N-terminale de la ssu RuBisCO de maïs fusionnée au peptide de transit de la ssu RuBisCO de maïs tel que décrit avec sa séquence codante dans le brevet EP 508 909.

10

20

30

Les exemples ci-après permettent d'illustrer l'invention pour la transformation du soja, sans toutefois chercher à en limiter la portée.

Toutes les méthodes ou opérations décrites ci-dessous dans ces exemples sont données à titre d'exemples et correspondent à un choix, effectué parmi les différentes méthodes disponibles pour parvenir au même résultat. La plupart des méthodes d'ingénierie des fragments d'ADN sont décrites dans "Current Protocols in Molecular Biology" Volumes 1 et 2, Ausubel F.M. et al , publiés par Greene Publishing Associates et Wiley -Interscience (1989) ou dans Molecular cloning, T.Maniatis, E.F.Fritsch, J.Sambrook,1982.

Le contenu de toutes les références citées dans la description ci-dessus et dans les exemples ci-après est incorporé au contenu de la présente demande de brevet par référence.

Exemple 1: Technologie de transformation du soja

La technologie employée pour la transformation du soja a été décrite par Santarém & Finer: Transformation of soybean (Glycine max (L.) Merrill) using proliferative embryogenic tissue maintened on semi-solid medium. In Vitro Cell. Dev. Biol. Plant 35: 451-455, 1999. Elle comprend les étapes ci-après.

Des embryons immatures zygotiques (de 3 à 4 mm) sont disséqués de manière aseptisée et placés le côté adaxial sur le dessus dans un milieu comprenant du 2,4D (D40).

D 40 est un milieu Murashige and Skoog décrit dans: Murashige & Skoog: A revised medium for rapid growth and bioassays with tobacco tissue cultures. Physiol. Plant. 15: 473-497; 1962. (mg/l): NH4NO3: 1650, H3B03: 6,2; CaCl2, 2H2O: 332,2; CoCl2, 6H2O: 0,025; CuSO4, 5H2O: 0,025; Na2EDTA: 37,26; FeSO4, 7H2O: 27,8; MnSO4, 7H2O: 16,9; Na2MoO4, 2H2O: 0,25; KI: 0,83; KNO3: 1900; KH2PO4: 170; ZnSO4, 7H2O: 8,6 avec de la vitamine B5 Gamborg décrite par: Gamborg, Miller and Ojima: Nutrient requirements of suspension cultures of soybean root cells. Exp. Cell Res. 50: 151-158, 1968: (mg/l): myo-inositol: 100; Nicotinic acid: 1; Pyridoxine-Hcl: 1; Thiamine-Hcl: 10; and 40 mg/l of 2,4-D and 6% sucrose; 0,3% gelrite, pH 7,0.

Après 3 semaines de culture en milieu D40, les cotylédons sont transférés sur un milieu D20 qui comprend essentiellement les même éléments que le milieu D40, à l'exception de la concentration en 2,4D qui est abaissée à 20 mg/l et de la concentration en saccharose qui est abaissée de 60 g/l à 30 g/l, à pH 5,7.

Sur ce milieu, les embryons somatiques commencent à proliférer sous forme de d'agrégats compacts, ou « clumps ». Les « clumps » embryogéniques sont ensuite transférés tous les 15 jours sur un nouveau milieu D 20 pour augmenter la production de tissus. Cinq ou six transferts (environ 3 mois) sur ce milieu sont nécessaires pour optimiser leur compétence à la transformation. L'emploi de tissus embryogéniques à un stade plus précoce conduit à des résultats beaucoup plus faibles.

Transformation des tissus

10

15

20

25

30

Le bombardement de particules est employé pour la transformation des tissus embryogéniques.

Préparation des particules: Des particules de tungstène fonctionnalisées (M17) sont préparées selon le brevet US 6 068 980. Les particules sont fonctionnalisées par greffage de silicones aminées comme élément de vectorisation et lavées dans l'éthanol absolu. 2,5 mg de particules dans l'éthanol sont mélangés avec 3 µg d'ADN. Après précipitation ; les particules sont pipetées et employées pour deux tirs avec un canon à particules de type PIG décrit par Finer, Vain, Lones and McMullen dans : Development of the Particle Inflow Gun for DNA delivery to plant cells. Plant Cell Rep. 11 : 323-328, 1992.

Avant le bombardement, les tissus sont séchés sous vide sous une sous une hotte laminaire pendant 5 à 10 mn, puis placés entre deux écrans de 500 µm puis bombardés deux fois.

Après le bombardement, les tissus sont transférés deux fois sur milieu D20 (2x10 jours) avant de débuter la sélection par l'hygromycine (30 mg/l).

De manière à éviter la manipulation de tissus et de gagner du temps, les cals bombardés sont placés sur un écran de gaze stérile fixé par deux anneaux métalliques (figure 2) qui permettent un contact direct entre les tissus embryogéniques et le milieu solide. Les écrans de gaze sont transférés sur des milieux frais chaque 15 jours jusqu'à ce que des cals verts soient observés. Il est entendu que le principe de transfert de cals décrit ci-dessus n'est pas limité aux cals de soja et à la sélection par l'hygromycine, mais peut être employé pour tout procédé de culture de tissus et de suspensions cellulaires nécessitant un changement fréquent de milieu de culture.

Amplification et Régénération des tissus

10

25

30

Les cals verts qui poussent sur milieu comprenant de l'hygromycine sont amplifiés pendant 1 mois sur milieu SBP6 décrit par Finer & Nagasawa dans : Development of an embryogenic suspension culture of soybean (Glycine max Merill.) Plant Cell. Tissue and Organ Culture 15 : 125-136, 1988 (mg/l) : Na2EDTA: 37,24; FeSO4, 7H2O: 27,84: MgSO4, 7H2O: 370; MnSO4, H2O: 16,9; ZnSO4, H2O: 8,6; CuSO4, 7H25O: 0,025, CaCl2, 2H2O: 440; KI: 0,83; CoCl2, 6H2O: 0,025; KH2PO4: 170; H3BO3: 6,2; Na2MoO4, 2H2O: 0,25; myo-inositol: 100: nicotinic acid: 1; pyridoxine-HCL: 1; thiamine-HCL: 10; NH4NO3: 800; KNO3: 3000; asparagine: 670; 6% sucrose; 2,4-D: 5, pH 5,7.

Lorsque suffisamment de tissus sont produits, ils sont ensuite convertis en embryons en employant un milieu décrit par Finer & McMullen dans : Transformation of soybean via particle bombardment of embryogenic suspension culture tissue. In Vitro Cell. Dev.Biol. 27P: 175-182, 1991.

Après 3-4 transferts sur ce milieu, les embryons sont séchés à l'air dans une boite de Petri pendant 2 jours avant germination sur un milieu Murashige & Skoog (vitamines B5) à demi force avec 15 g/l de saccharose, 7g/l de phytagar, pH 5,7.

Lorsque les plantes sont bien développées, elles sont transférées dans un substrat à base de tourbe "jiffy pot" pour une période de 10 jours pour acclimatation avant d'être transférées en serre.

Cette technologie employant l'écran de gaze et la sélection par l'hygromycine permet de régénérer 200 cals par personne et par an.

Example 2: Transformation des tissus selon l'invention

Le même procédé de sélection a été développé pour les inhibiteurs d'HPPD avec un milieu D20 comprenant 2 mg/l d'isoxaflutole ou 0,5 à 5 mg/l de dikétonitriles. Le gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD employé comme marqueur de sélection est le pCH73 ou le pCH94 représentés sur la figure 1.

l'isoxaflutole ou les dikétonitriles aux concentrations précitées de manière à blanchir les tissus. Après bombardement, les tissus sont placés directement dans le même milieu D20 comprenant 2mg/l d'isoxaflutole ou de dikétonitrile (entre 0,5 to 5 mg/l) et transférés dans un milieu frais tous les 15 jours. Après 4 transferts sur l'isoxaflutole, des cals verts sont identifiés et amplifiés comme décrit dans l'exemple 1. Le temps nécessaire à l'obtention de cals de cellules compétentes pour le bombardement est de 3 mois et demi. La sélection des cellules transformées (cals verts) intervient environ 6 moins suivant l'initiation des cals pour la transformation (figure 3).

Lorsque les tissus sont transférés pour sélection sur l'isoxaflutole, ils sont rapidement blanchis par l'herbicide, sans observer d'inhibition de la croissance. Ceci est dû au fait que l'absence de caroténoïdes, de chlorophylle et de tocophérols n'est pas indispensable à la croissance des tissus.

Les résultats obtenus avec et sans blanchiment préalable sont représentés dans le Tableau l ci-après.

Tableau 1: transformation sur milieu D20

PCH73			PCH94		
	2	3	1	2	3
	0,5	0,25	0,67	1	2
	0	0,25	0,67	0,33	0,25
	0	1 2	1 2 3 0 0,5 0,25	1 2 3 1 0 0,5 0,25 0,67	1 2 3 1 2 0 0,5 0,25 0,67 1

Ils montrent, en particulier pour le pCH94 un plus grand nombre de cals identifiés en amorçant la sélection avant le bombardement selon l'invention. Ce plus grand nombre de cals sélectionnés est lié à l'amélioration du processus de sélection selon l'invention, en facilitant l'identification des cals transformés.

Exemple 3: Choix du milieu

5

10

15

20

25

De manière à améliorer le processus de sélection selon l'invention, on a cherché à 30 diminuer le nombre de transfert de tissus et le temps nécessaire à l'obtention de cals de

cellules compétentes et de cals verts sélectionnés après bombardement. A cet effet, le milieu D20 employé précédemment a été remplacé par un milieu FNL modifié, lequel permet une prolifération rapide des tissus.

Le milieu FNL a été décrit par Samoylov, Tucker, Thibaud-Nissen & Parrott dans : A liquid-medium-based protocol for rapid regeneration from embryogenic soybean cultures: Plant Cell Rep, 18 : 49-54, 1998.

Ce milieu permet d'obtenir plus rapidement des tissus prêts au bombardement, une plus grande embryogénie et des cycles de transfert plus courts.

Composition du milieu FNL (mg/l): Na2EDTA: 37,24; FeSO4, 7H2O: 27,84; MgSO4, 7H2O: 370; MnSO4, H2O: 16,9: ZnSO4, H2O: 8,6: CuSO4, 7H25O: 0,025: CaCl2, 2H2O: 440; KI: 0,83; CoCl2, 6H2O: 0,025; KH2PO4: 170; H3BO3: 6,2; Na2MoO4, 2H2O: 0,25; myo-inositol: 100: nicotinic acid: 1; pyridoxine-HCL: 1; thiamine-HCL: 10; (NH4)2SO4: 460; KNO3: 2820; asparagine: 670; 1% sucrose; 2,4-D: 10; 0,3% gelrite; pH 5,7.

10

15

20

25

Toutefois, en l'absence de blanchiment préalable, la quantité de tissus à manipuler pendant le processus de sélection reste trop importante, comparable à celle du milieu D20 du fait de la vitesse importante de leur développement.

Le bombardement de tissus blanchis par l'isoxaflutole selon l'invention ne nécessite qu'un seul transfert de cals avant d'obtenir les cals verts sélectionnés, contre 4 en employant le milieu D20.

Le temps nécessaire à l'obtention de cals de cellule compétentes pour le bombardement est de 2 mois, les cals transformés verts étant sélectionnés environ 3 mois suivant l'initiation des cals pour la transformation (figure 3).

Les résultats de transformation avec les plasmides pCH73 et pCH94 sont reportés sur le tableau 2 ci-après.

PCH94 pCH73 Blanchiment 4 3 2 1 3 2 1 Essai 1,5 0,33 1 1 0,33 1,5 Avant Bombardement 1 0 Après Bombardement 0.25

Tableau 2: Transformation sur milieu FNL

. Le nombre moyen de cals verts sélectionnés par essai de transformation en employant les tissus blanchis selon l'invention est de 1 par tir. Ce tableau montre également qu'avec le blanchiment préalables des tissus, on obtient les même fréquences de

transformation pour les deux gènes pCH73 et pCH94, alors que le promoteur ssu RuBisCo de pCH73 est connu pour avoir une expression faibles dans les cals in vitro, contrairement au promoteur d'histone de pCH94.

L'emploi du milieu FNL en combinaison avec le blanchiment préalable des tissus selon l'invention permet de diminuer de manière substantielle le temps nécessaire à la sélection des cals verts et la charge de travail pour tout le processus de transformation des plantes.

Revendications

20

30

- 1. Procédé de transformation de cellules végétales par l'introduction d'un gène hétérologue dans lesdites cellules végétales avec un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comme marqueur de sélection, ledit procédé comprenant les étapes de
- a) préparation et culture de cellules végétales compétentes aptes à recevoir le gène hétérologue dans un milieu approprié,
- b) transformation des cellules compétentes avec le gène hétérologue et le marqueur de sélection,
- 10 c) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue dans un milieu approprié.

caractérisé en ce que l'on effectue une étape de blanchiment des cellules végétales compétentes avant l'étape de transformation (b), en introduisant dans le milieu approprié de culture des cellules végétales compétentes un quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD.

- 15 2. Procédé de préparation de plantes transgéniques, comprenant un gène hétérologue intégré dans son génome, comprenant un procédé de transformation de cellules végétales selon la revendication 1, caractérisé en ce qu'il consiste ensuite à effectuer les étapes suivantes de :
 - d) régénération de plantes à partir des cellules transformées sélectionnées dans un ou plusieurs milieux appropriés, et le cas échéant,
 - e) obtention et récupération des graines des plantes transformées fertiles.
 - 3. Procédé selon la revendication 2, caractérisé en ce que les plantes transgéniques obtenues par le procédé selon l'invention sont des plantes transgéniques fertiles.
- 4. Procédé selon l'une des revendications 1 à 3, caractérisé en ce que les cellules végétales sont choisies parmi les cellules de plantes dicoltylédones, notamment le tabac, le colza, la betterave à sucre, les pommes de terre, le coton, ou le soja.
 - 5. procédé selon la revendication 4, caractérisé en ce que les cellules végétales sont des cellules de soja.
 - 6. Procédé selon l'une des revendications 1 à 5, caractérisé en ce que les cellules végétales compétentes sont choisies parmi les cals embryogéniques, les cultures cellulaires sur support solide ou en suspension, ou les tissus embryogéniques.
 - 7. Procédé selon la revendication 6, caractérisé en ce que les cellules végétales compétentes sont des tissus embryogéniques proliférants.

- 8. Procédé selon la revendication 7, caractérisé en ce que les tissus embryogéniques proliférants sont maintenus dans un milieu semi solide.
- 9. Procédé selon la revendication 8, caractérisé en ce que le milieu semi solide est un milieu FNL.

5

10

30

- 10. Procédé selon l'une des revendications 1 à 10, caractérisé en ce que l'inhibiteur d'HPPD est choisis parmi les isoxazoles, en particulier l'isoxaflutole, les dicétonitriles, en particulier la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-CF3 phényl) propane-1,3-dione et la 2-cyano-3-cyclopropyl-1-(2-SO2 CH3-4-2,3 Cl2 phényl) propane-1, 3-dione, les tricétones, en particulier la sulcotrione ou la mésotrione, ou les pyrazolinates.
 - 11. Procédé selon la revendication 10, caractérisé en ce que la concentration en inhibiteurs d'HPPD est comprise entre 0.5 mg/l et 50 mg/l, plus préférentiellement comprise entre 1 mg/l et mg/l.
- 12. Procédé de préparation de plantes transgéniques, comprenant un gène hétérologue intégré dans leur génome, lequel procédé comprend un procédé de transformation de cellules végétales par l'introduction d'un gène hétérologue dans lesdites cellules végétales avec un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comme marqueur de sélection, ledit procédé comprenant les étapes de
- a) préparation et culture de cellules végétales compétentes aptes à recevoir le gène
 20 hétérologue dans un milieu approprié,
 - b) transformation des cellules compétentes avec le gène hétérologue et le marqueur de sélection,
 - c) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue dans un milieu approprié.
- d) régénération de plantes à partir des cellules transformées sélectionnées dans un ou plusieurs milieux appropriés, et le cas échéant,
 - e) obtention et récupération des graines des plantes transformées fertiles, puis

obtention de nouvelles variétés de plantes transgéniques ayant intégré le gène hétérologue de manière stable dans leur génome dans des programmes de sélection classique

caractérisé en ce que l'on effectue une étape de blanchiment des cellules végétales compétentes avant l'étape de transformation (b), en introduisant dans le milieu approprié de culture des cellules végétales compétentes un quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD.

13. Procédé selon l'une des revendications 2 à 12, caractérisé en ce que le gène marqueur de sélection est éliminé par croisement des plantes transformées comprenant le gène hétérologue et le gène marqueur de sélection avec une variété non transformée de la même plante.

AVENTIS CROPSCIENCE SA

Utilisation d'inhibiteurs d'HPPD comme agents de sélection dans la transformation de plantes

Abrégé Descriptif:

La présente invention concerne un procédé de transformation de cellules végétales par l'introduction d'un gène hétérologue dans lesdites cellules végétales avec un gène de tolérance aux inhibiteurs d'HPPD comme marqueur de sélection, ledit procédé comprenant les étapes de

- f) préparation et culture de cellules végétales compétentes aptes à recevoir le gène hétérologue dans un milieu approprié,
- g) transformation des cellules compétentes avec le gène hétérologue et le marqueur de sélection,
- h) croissance et sélection des cellules transformées comprenant le gène hétérologue dans un milieu approprié.

caractérisé en ce que l'on effectue une étape de blanchiment des cellules végétales compétentes avant l'étape de transformation (b), en introduisant dans le milieu approprié de culture des cellules végétales compétentes un quantité appropriée d'inhibiteur d'HPPD.

LISTE DE SEQUENCES

<1135 Aventis CrcpScience S.A.</pre>

 $<\!122\%$. Utilisation d'inhibiteurs d'HPPD comme agents de selection dans la transformation des plantes

14:

-141 -

× 160 × 2

9170 - FatentIn Ver. 2.1

< 7.10> 1

+.211 + 5281

<1112 > ADN

- 213 > Séquence artificielle

- 1000 : Description de la séquence artificielle: gène chimère

<4005 1

ctaqtqqcqc cacgcgtgat atcatqcatg ttaacatcga tccatgggcg cgccttaatt 60 agaittaaat dagotgoatt aatgaatogg ocaaogogog gggagaggog gtttgogtat 120 taggraphet teagetteet egeteachga etegetyege teggtegtte ggetgeggeg 180 ajoggtatoa gotoactoaa aggoggtaat acggttatoo acagaatbag gggataacgo 240 aggaaagaac atgtgagcaa aaggobagca aaaggobagg aacegtaaaa aggobgcgtt 300 totigogiti ittocataggo tocqooccoo tgacgagoat cacaaaaato gacgotcaag 360 tragaggtgg ogaaaccega caggastata aagataccag gogtttocco etggaagete 420 contignings totastifts agadestics gettastiga tastifted estitates 480 tto-gyaago gtggogottt otdatagoto acgotgtagg tatotoagtt oggtgtaggt 54%mittemetre aagetgiget gtigtgeaega aeeeeegtt cageeegase getgegeett 600 atorgataad tatogtottg agtocaabob ggtaagadad gadttatogo dadtggdagd 660 tychactogt aacaggatta goagagojaj gtatgtaggo ggtgotabag agttottgaa 720 gtggtggoot aactacggot acactagaag gacagtattt ggtatotgog ctotgotgaa 780 quinagttace tteggaaaaa gagttggtag etettgatee ggeaaacaaa ecaeogetgg 340 islightigt tittitgttt graagcagda gattacgcgc agaaaaaaag gatctcaaga 900 againstitt atottttota oggjytotga ogstoagtgy aasgaaaast sasyttaagg 960jartttgyte atgagattat caasaaggat etteacetag atcettttaa attaaaaatg 1930 aajttttaaa toaatotaaa gtatatatga gtaaacttgg totgacagtt accaatgott 1980

autoagtgag geanctatet cagegatetg tetatttegt teatecatag tigeetgast 114%consisting tagataanta egatanggaa gggottanna totggondoa gtgotgoaat (1,0)gara eggqa gaoddaegot cadeggot::: agatttatca gcaataaach agddagcijj lift aaqqqoogaq ogougaagtq gtootqoaab titaloogoo tooalooagt otallaariq $1\,\mathrm{M}\,\mathrm{O}$ ttypogggaa qotagagtaa gtagttogib aqntaatagt ttqcy-maoq ttqttgodan 1380. tgotadaggo atogtggtgt badgetbgts gittggtatg gettgattea getdeggtto 1440° osaasgatda aggogagtta datgatsoos datgttgtgd aasaaagogg ttagstoett 1500 egytietopg atoyttytea gaagtaagtt gyeegeagty ttateiitea tyyttätege 1840. agraphypat aattototta otytoatyop arobytaaga tyotthtot α tyabhyqtda 1670gtactcaaco aagtoattot gagaatagtg tatgoggoga oogagttgot ottgoccago 1680 gtraataogg gataataoog ogodadatag dagaadttta aaagtyrtra toattygaaa 1740 acyttottog gggogaaaac totoaaggat ottacogoty ttgagatoca gttogatyta 1800. accoactegt geacocaget gateticage atetitiact tipacpages titetygging 1:60 aqcaaaaaca ggaaggcaaa atgcogcaaa aaagggaata aggqcgacac ggaaatgttg 1920. aatastoata otottootti tioaatatta tigaagoatt tatoagggit attigeotoat 1980. gagoggatac atatttgaat gtatttagaa aaataaacaa ataggggtto egegoacatt 2040 teccegaaaa gtgecapetg aegegeeetg tageggegea ttaagegegg egggtgtggt 2100 gyttacgege agegtgacog ctacastige cagegoecta gegeeegete stittsgetit 2160 cutocottos uttotogosa egutogoogg chitococcqt caaqototaa ateggggant 2000 occuttaggg thoogathra gradettacg geacerogae occasasasa trigattangg 2080 tyatyyttöä ogtaytyyyd datogonoty atagadyytt titogodott tyadyttyya 2740 gtocacgito titaatagig gactottyti ocaaacigga acaacacica accetatoto 2400 ggtotattot titgatitat aagggatitit googatitog gootattogt taaaaaatga 2460 gotgatttaa caaaaattta acgogaattt taacaaaata ttaacpotta caatttocat 2510 tegreattea ggetgegeaa otgttggdaa gggenategg tgegggerte ttegetatta 2580 ogeoagotyg goaactytty gyaagyydga togytydygy detettoyot attacycosg 2640 otygogaaag ggggatgtgo tgcaaygoga thaagttggg taacgcoagg gttstoocag 2760. tbangangtt gtaaaangan ggonagtysa ttgnggnogn aattonigat stagtasist 2760. agalgabaso goqogogata attiatosia qittqoqogo tataittigt titolatogo 3870. grantagang babaattong ogactobaat bahadagado balobbataa alaangsbat 2000 guartabang traattarta patgotisao gtaattbaab agaaattafa tgataafinat 2 400 ograagadog goaadaggat toaatobhaa gaaabtttat tgobaaatqt btgaabgato 3000. qygyaaatto gtogagtoao ootoggoogg yotttttgao yottaatogg oggtoaarao 80%appaigabge abbriggthae griegarijsa orbsgaadage goetrigaagt tebabiejbe 31/0 asabboatog togopottgo gotggatjaa toogaagaad abuggjooda toagggitto 3180 ogagaagato tgbagoagba ggogtttgto posttobacg gaagatoogt obagbaggat 3140 appyograde tgeagttyat epapeggete geograpitea gyeaggegge ettegapeat 33000 ttogtaataa gtgtotggog gogoggtoat gaagogbatg obyattotot toaabgogto 3380 draggtotog accaggoogt oggogaqqaa ogobaugtigo oggatyboott ogorgotigaa 3420 organicago aactorraga torgeocago gosarragad gaaratragt tangagagat 2480 qoggatoatg dogtobggog dactratggo bittggaagto aggebygtgt abtbgoudtt (FF4)) gatatogaag taacgsgott daoggaagtt gaadaattto togtagaagt tggdscagta (800) garbatqbdq degegataga eqttqtqqqt daggtqqtdq atqactttqa gadetqcadd 36k: garnqqattq egetecadae ettegaggta caegaagteg atgtegtaga tegagetgee 3710 tt jodyana oggtogatoa gytabaadogg ogogoogoog atgoobttga togooggoag 3780. gttpaartom atoggoodgg tigtpaatatig gatoggotigg gegoogagit odagggoog 3840 go jtalgro tintgogagi obticacycy gaacyccaty coycacachy abygghogicy 3900 tt nggolgia aagtaggagg ogatgotett gggotogtty ttgaggatna ggttgatoto 3960 genetyjogy tabaggtgda cyttott $_{
m fga}$ acgytyggto gegaett $_{
m fg}$ tgaageccat $_{
m 4020}$ gatotogaag atoggotoda gygtadolygy ogtoggogad gogaattiya tgaattoaaa 4.08%geocathagy cocattgggt titogtatag atotgeoaty candigated tioogregit 4140 golgachttg regaggette tggaggageq gegggegaeg gggaggelyg eggtggaett 4200 gagopeetyg sacggagega eggeggtyge egapgaggee atbateaeyg tgggegeest 4260. tgadagegge ggdaggtaeg adagegtett gaaettettg ttgdegtagg eoggebacae 4320 ctypatatat tgaastotto cadegitgos gggaagggtg gagaagtigt tagosttott 4380 gaugguggig aaggeggegt tggacttaaj geoggugaae ggagesarra tgttggeetg 4440 aqbaqqqqqq qtobqqetaa oggtoqoqab tqaqqaqqaq atoqaaqbba tqqqbqqctq 4500 gotgootagt atgtatgtac togotgottg ottgggaatt ogatggtoga gaatocaatg 4560 agtgaettta gtgattatga getgtatata taataettgt acatgagetg eetgeeatee 4620 aacijgataaa aacaaatota tottaacttg tagtgattot gagogtagga tgttgtggot 4680 criqqaatti cargoatagi giccacataa talaatigca attigaanac citatcatai 4740 andcandonna aatgyagago dadytytdaa atqoadatty otdaaaatat ottatotdat 4800 ottotaaayg agaggtagac atggaaqqgt oggagggtga gtgtaatitt tatgaatcat 4860 gaggttaata gtgtgtggtt tatattgtta atgttttaac tatcatgago gtttgaaaat 4920 orgonadogt aattaagtag dagatgtgtt attiticate dadated:gt dadattgddt 4980 ataatcaaaa agagtttoaa aaattaccta aaaaccatgt aaattotttg aaacctaccg 5040 aaattotaaa aagaaaatat tgatatoaaa ataogtgaaa aotggassaa tattacooga 5100 aactggacca atatgttgta gtgtggttga googetattg ataagtagte tagtgetttt 5160 aatagtaagg tiggaattat taaagcataa ataaaaaasa aatacaaata caaatttatt 5220 asgactajaa aaattgtato atooaagtat tgaattatot agaggatooo ogggggatoo 5280 5.31

- 11(1- 2

-111 - 5909

-212 - ADN

-213 - Sequence artificielle

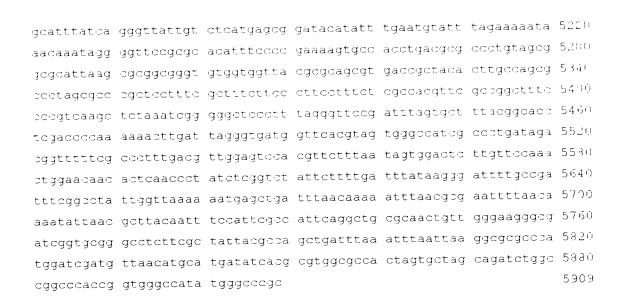
- 22 is

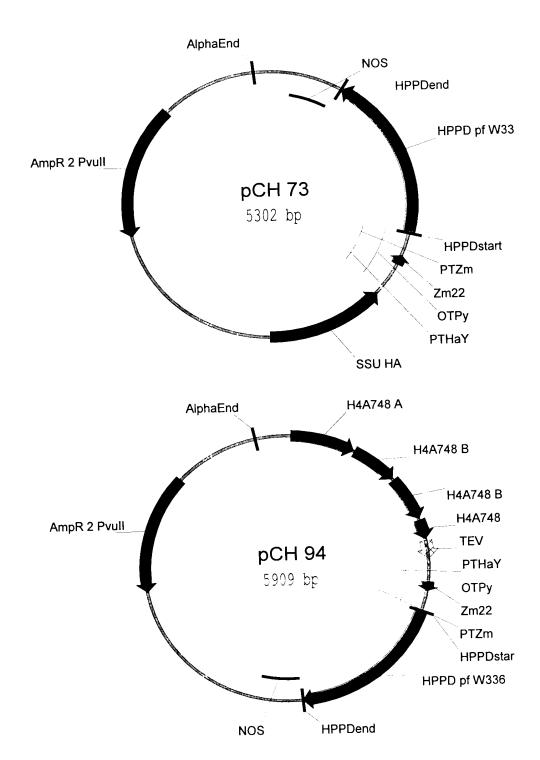
.223 : Description de la séquence artificielle: gêne mimére

401 / 2

m ggtggcggcc gototagago tigoatgoot goaggtoyag gagaaatatg agtigaggca $m e^{i \gamma}$ tggatacact aagttoopot gaagtgagca tgatottiga tgitgagatg attoocagag 120

caaqatagtt tgtgotgoaa gtgababaat tgtaatgaaa obabbaofna abgaatttan 180 ttgtggettt gacafgtegt gtgetetgtt tgtatttgtg agtgsegart ggtaattatt 240 ttryttaatg tgattttaaa acctottatg taaatagtta otttatorat tgaagtgtyt 300 torigtgato tatagittist caaagggaaa ttaaaaatgit gadatoo at ttadaattga 360. taanttiggta tacanaaast tigiaaatti ggigatatti aigginnaa gaaqqoaata 400 occuattiguat gittopaatat baatatbaat acgataacti gataatuma abatatgatt 490 gtwattgttt ttopagtato aatatabatt aagotactao aaaatta;ta taaatoacta 940 tattataaat offittoggt tgfaabtigt aattogtggg fffftaaaaat aaaaagcatgt 600 gasasttite asstastyty atgregesat titattitee gaytteessa stattyeens $600\,$ thouttaged taathtigtigg egocacatigt aaaacaaaag acgattetta gtiggebatica 700 otyphatbac goggatbact satatgaabb gtogattaaa abagathyab ygtthatala 770 toattttatt gtacacacgg atogtafgat tgtcattgtt ttttccayfat caatutacat 240 taagotabta baaaattagt ataaatbabt atattataaa tottiti igg tigtaabiitg 900 taattojtgg gttittaaaa taaaaqoatg tjaaaattit caaataatgt gainqijjiaa 960 ttotalittle egagiteeaa aalaluqeeg eticattace etaantique geneeacatg 1000 taaaanaaaa gacqattott agtggotato actgocatoa ogoggatiac taatatgaac 1980 egiogattaa aacagatega eggittatae aleatittat igiasasaeg galegatate 1140 tragongita gatttaatat gogatingat tigotoaaaaa atagachisto ogtottigon 1200 tutaasaada atticacato titotosood aastotacto tiaadositto tiottotiot-1.760aragacatea attroteteg actetagaat tegaaacada acatatabaa aacaaacada 1300 thtcaagcaa toaagcatto tanttotatt goagcaatti aaatoamtto tiittaasgoa 1380. asagoasttt totgassatt ttosoccattt sogssogsts godstyyott ogstotooto 1440 ensagnogog acognhagod ggadogoddd tgotbaggdo aacangungg choognhoad 1500 eggesttaag tecaacgoog cetterocae caecaagaag getaargast teteraceet 1560 toccagoaac gguggaagag ticaatatat gcaggtqigg coggociacg gcaacaaqaa 1620 gttogagaeg otgtogtaec tgoognoget gtotatgdog occaecytga tgatggoeto 1680 graggerade geogragete egitteraggg gercaagtee accgreagee teccegiege 1740. degeogetic tecagaagee tiggelaegt cageaacyge ggaayyatee ggtgeatgi: 1800 agatotatao gaaaaoodaa toggootgat gggotttoaa ttoatogaat togoqtogoo 1860. hadgongggt accompgage quationtings gatostoged htdannasag tippogaloges 1910. rogittocaag aangigoadd tytanogoda gygngagato aaccigatoo i nashasiga 1980. goscaanago atogostost aetstijoggs ogaasasggs pogtinigtgt goggnatgds 2040. gittoogigity aaggaetege asaaggeeta baabsgegee etggaacteg gegebisages 2100. gaindalatt qabaccoggo ogalogaatt gaabsigoog gogalbaagg qoalogboog 1160 egogoogutg tacongateg abogittogg ogaaggeage togaintaeg acategaeit 2000 ogtotacoto gaaggigigg agogoaatoo ggioggigba ggfofnaaag toatogacba 2280. songacocae adegnishate goggeogeat gynetaengg goedasthet digagaaanh 2840. gtt maastto ogtgaagogs gttasttoga tatoaagggs gagtamadog grotgawtto 2400 caspoceaty agtgogropy acqueatgat degeateces etgascyasy syttephicas (460) gggrqcqggg baqatoyaag agttootgat geagttbaac ggbpaaggea tirageacgt [[2]] agogtteste acceangace togetsaagan otgggasgeg ttgaagaaaa thggcateng 2530 ottoatgado gogoogodag adaottatta ogaaatgoto gaaygoogod tyontgadda 1640 eggngageeg gtggateaae tgeaggeaeg eggtateetg etggaeggat etteegtgga 27000 aggigadaaa egootgotgo tgoagatott ottiggaaado otgatgggod eggtyttott 27%). ogaittbatc cagogbaagg gogacqatgg gthtggbgag tggaacttca aggogbtgtt 2820. ogalitocato gaabgtgabb aggtgdgteg tglftgtattg abogodgatt aagegtcaaa 26%). aagroogged gagggtgadt ogadgiattt decegategt teaaadittt ggcaataaag 2940 tttnttaaga tigaatooig tigooggiot igngatgati alcabataat ticigirgaa 3(6,6) ttangttaag catgtaataa ttaadatgta atqcatgacg ttatttatga gatgygnttt 3060 tatyattaga gtooogoaat tatabattta ataogogata gaaaacaaaa tatagojogo 3120. aaabtaggat aaattatogo gogoggtuto atotatytta otagatongg aattgoygoo 3180 goalttoact ggoogtogtt ttacaacgto gtgactggga aaaccetigo gttacccaac 3040 ttaatogoot tgcageadat ecoedtiteg ecagodagot gcattaatga atoggodaad 3300 gogogyggag aggogyttig ogtattyygd gotottocgd tidotoghto actifactogd 3360. tgogitoggt ogttoggotg oggogagogg tatoagotoa otoaaaggog gtaataoggt 3420 tatocacaga atcaggggat aacqcaggaa amaacatgtg agcaalaggo cadcaadagg 3480. ocaggaacog taaaaaaggoo gogtigotgg catttitoba taggotobgo ocobbtgaeg 3540 agnatbalaa aaatogabgo tbaaqtbaga gytqqbgaaa bobgabaqga btataaaqat 3600 achaggogst tecenotyga ageteceteg tycyctetee tyttesgaed etgeogesta 3660 coggatadet gtoogootti eteoettogg gaagegtyge gettistbat agetbanget 3720 gtaggtatot cagitoggig taggiogito gotocaagot gagatgigig dacgaaceed 3780 coattoaged egacegotige goottateeg quaactateg tettgaqtoo aaceeggtaa 3840 gacacgaett ategecaetg geagetgena etygtaacag gattagraga gegaggtatg 3900 taggoggtgo tacagagtto ttgaaqtyyt qqootaacta oqqotaract agaagyacay 3960 tatttggtat otgogototg otgaagooag tiacottogg aaaaagagtt ggtagetott 4020 gatooggoaa acaaaccado gotigotagog gtiggittitt tittigbaag cancagatta 4080 ogoddagaaa aaaaggatdt daagaagatd etttqatett ttotaoggag totgaogeto 4140 agtygaacga aaactcacgt taagggatrit iggtcatgag attatcaaaa aggatiittca 4200 octagatost titaaattaa aaatgaagti titaaatoaat otaaagtata tatgagtaaa 4260 ontygnonga bagnnaddaa ngontaanda yngangdadd tahondagog anonghotat 4320. ttegtteate catagitges tgastesseg legtgtagat aastacgata egggagget 4380 tuccatorgg openagract guautgaram (događacec angordacec gotecajatt 4440) tathagcaat aaanbagcca gotiggaaggg hogagcgcag aagtiggnoot goaalititat (\mathbb{R}^{n}) engectocat coagtetatt aattyttyce jugaagetag agtaadtagt tegenaytta 45%) anagtttgog caabgitgit gepatigsta baggbatogi ggigt abgb togingiting 4620 qualgeotto atteagetee getteesaas gateaadgeg agttabatga terescatet 4680. tyngdaaaaa agdygttago toothoogynd obongatogt tytoagaagt aaghiggdog 4740 rajtgttato actoatggtt atggolgdad tgcltaatto tottabtgto atgolatobg 4900. taugatgott ttotgtgadt ggtgagtadt baardaagtd attotgagaa tagtgtatgd 4990 ggogacogag tigototigo coggogicaa tacaggaataa tacagogoca catagoagaa 4920 rtstaaaagt gotbatbatt ggaaaabgtt ottoggggog aaaactotba aggatottac 4980 egotyttgag atopagttog atytaardda etoytydaob dagotyatot thaddalell [1740] ttactitcae caqegttict ggytqageaa aaabaggaag gcaaaatgee gcaaaaaagg filo gaataagggo gacabggaaa tgttgaatac toatactott cotttttcaa tattattgaa [160]





<u>FIG. 1</u>

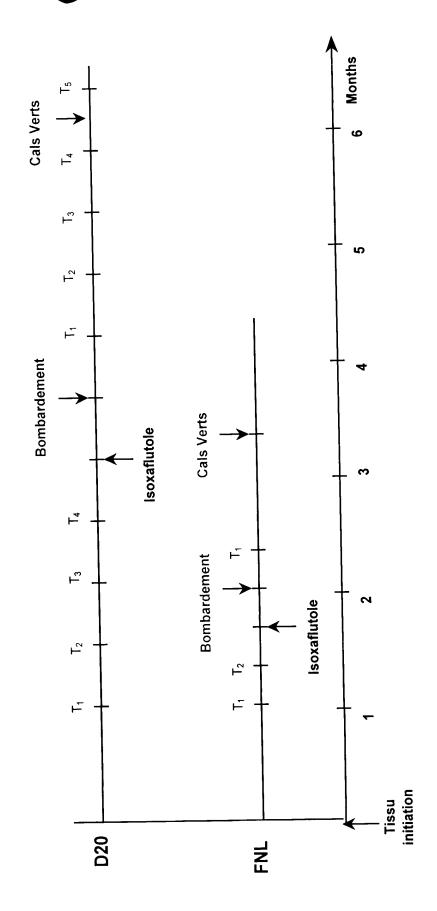


FIG. 2